

DNA/RNA-Fragmentierungs-Kits

ANBIETER HERSTELLER	PRODUKT- NAME	FRAGMENT- LÄNGENVERTEILUNG	SONSTIGES, BESONDERHEITEN, ALLGEMEINES	PREIS / EURO
7Bioscience Neuenburg am Rhein www.7bioscience.com Kontakt: Tel. +49 7631 7937980 order@7bioscience.com Hersteller: Chromatrap	Chromatrap ChiP-Seq Enzymatic ProA	100 bis 500 bp	<ul style="list-style-type: none"> – Bead-freies System für maximale Antikörper-Chromatin-Komplex-Ausbeute – NGS-fertige ChiP-DNA in bester Qualität 	834,- (24 Säulen)
	Chromatrap ChiP-Seq Enzymatic	100 bis 500 bp	<ul style="list-style-type: none"> – Bead-freies System für maximale Antikörper-Chromatin-Komplex-Ausbeute – NGS-fertige ChiP-DNA in bester Qualität 	834,- (24 Säulen)
Agilent Technologies Deutschland Waldbronn www.agilent.com Kontakt: Tel. +49 7243 6020 customercare_germany@ agilent.com	SureSelectQXT Reagent Kits	n/a	<ul style="list-style-type: none"> – Transposase-basierte Library-Präparation – 16- oder 96-Well-Format – Automatisierbar 	Auf Anfrage
Avantor/VWR Darmstadt www.vwr.com Kontakt: Kompetenzteam.lifescience@ vwr.com Hersteller: Quantabio Beverly (USA) www.quantabio.com Kontakt: Daniel Teutsch Tel. +49 1525 4566912 Daniel.Teutsch@quantabio. com	SparQ DNA Frag & Library Prep Kit	Anpassbar, 200 bis 800 bp	<ul style="list-style-type: none"> – Hochwertige Libraries von 1 ng bis 1 µg Input in 2,5 Stunden – Einfach anpassbare und reproduzierbare Fragmentierung – Einfacher 2-Schritt-Workflow mit minimaler Hands-on-Time 	673,- (24 Reaktionen) 2.560,- (96 Reaktionen)
	SparQ RNA-Seq HMR Kit	Ca. 320 bp	<ul style="list-style-type: none"> – Herstellung einer Illumina-Library mit optimiertem Workflow (10 Komponenten, 9 Schritte, 3 Tubes) in 4,5 Stunden – Kombinierte rRNA- und Globin-mRNA-Depletion – Höchste Library-Ausbeute und Qualität selbst bei degradiertem Ausgangsmaterial (RIN ≥ 3.5) 	1.940,- (24 Reaktionen) 7.030,- (96 Reaktionen)
	SparQ mRNA-Seq Kit	Anpassbar, >320 bp, 280 bis 320 bp und 260 bp	<ul style="list-style-type: none"> – Direktionale Illumina-Library in 4,75 Stunden – Hohe mRNA-Sensitivität und effiziente Anreicherung erlauben Detektion fast aller codierenden Gene – Reproduzierbares Transkript-Profilung 	834,- (24 Reaktionen) 2.840,- (96 Reaktionen)
	SparQ PureMag- Beads	n/a	<ul style="list-style-type: none"> – Hohe Ausbeute von Nukleinsäure-Fragmenten größer als 100 bp – Für DNA, RNA sowie Größenselektion geeignet – Einfacher Wechsel von ‚Magnetic Beads‘ anderer Hersteller 	229,- (5 ml) 850,- (60 ml) 4.160,- (450 ml)
	SparQ UDI Adapters (1-96)	n/a	<ul style="list-style-type: none"> – Optimierte für Avantor-SparQ-Library-Prep-Kits – Flexibles Pooling von bis zu 96 Proben – Verbesserte Performance ohne Index-Hopping mit mehr Genauigkeit bei der Auflösung der Reads 	1.100,-
	SparQ Universal Library Quant Kit	n/a	<ul style="list-style-type: none"> – qPCR-basierte Library-Quantifikation mit bis zu 50 Prozent Zeitersparnis gegenüber anderen qPCR-Protokollen – Stabiler, ready-to-use qPCR-Mastermix inkl. vorverdünnter DNA-Größenstandards – Hohe Amplifikationseffizienz in einem breiten Input-Bereich, auch bei variablem GC-Gehalt 	113,- (100 Assays) 479,- (500 Assays)
Biozym Scientific Hess. Oldendorf www.biozym.com Kontakt: Monika Burbach Tel. +49 5152 9020 support@biozym.com Hersteller: Qiagen Beverly (Enzymatics)	5X WGS Fragmenta- tion Mix	Einstellbar; abhängig von der Reaktionszeit und Menge 200 bis 600 bp	<ul style="list-style-type: none"> – Reproduzierbare hohe Ausbeute – DNA-Input 1 ng bis 1 µg – Uniform über breiten GC-Bereich; geringe Duplikationsrate 	Auf Anfrage

Produktübersicht

ANBIETER HERSTELLER	PRODUKT- NAME	FRAGMENT- LÄNGENVERTEILUNG	SONSTIGES, BESONDERHEITEN, ALLGEMEINES	PREIS / EURO
Hiss Diagnostics Freiburg https://hiss-dx.de Kontakt: Tel. +49 761 389490 hiss@hiss-dx.de Hersteller: Gene2Me	LeoNext Universal Plus DNA Library Prep Kit for Illumina	200 bis 600 bp	<ul style="list-style-type: none"> Fragmentierung, Endreparatur und A-Tailing in nur einem Schritt Anwendung für 100 pg bis 1 µg Input-DNA (z.B. genomische DNA, FFPE-DNA) Für Illumina-Systeme geeignet 	Auf Anfrage
	LeoNext Universal Plus DNA Library Prep Kit for MGI	200 bis 600 bp	<ul style="list-style-type: none"> Fragmentierung, Endreparatur und A-Tailing in nur einem Schritt Anwendung für 100 pg bis 1 µg Input-DNA (z.B. genomische DNA, FFPE-DNA) Für MGI-Systeme geeignet 	Auf Anfrage
Illumina San Diego, CA (USA) www.illumina.com Kontakt: Tel: +49 30 2202 7201 0800 627 1097 techsupport@illumina.com	Illumina DNA Prep	n/a	<ul style="list-style-type: none"> On-Bead-Tagmentation 3,5 Stunden von der DNA-Extraktion bis zur Normalisierung der Library 1 bis 500 ng DNA als Ausgangsmaterial 	Auf Anfrage
New England Biolabs Frankfurt am Main www.neb-online.de Kontakt: Tel: +49 69305 23140 0800 BIOLABS (246-5227) info.de@neb.com	NEBNext Ultra II FS DNA Library Prep Kit for Illumina	Gewünschte Fragmentgrößen im Bereich von 100 bis 1.000 bp über Inkubationsdauer genau einstellbar	<ul style="list-style-type: none"> Zuverlässiges Library-Prep-Kit für Illumina-Sequenzierung mit kurzem Protokoll dank integrierter enzymatischer Fragmentierung Hochqualitative Libraries aus gDNA, cDNA oder Amplikons, unabhängig von GC-Gehalt und für Inputmengen ab 100 pg bis 500 ng geeignet Leicht skalierbar und automationsfreundlich 	708,- (24 Reaktionen) 2.690,- (96 Reaktionen)
	NEBNext Ultrashear	Gewünschte Fragmentgrößen im Bereich von 100 bis 1.000 bp über Inkubationsdauer genau einstellbar; für FFPE-DNA 100 bis 200 bp	<ul style="list-style-type: none"> Neue enzymatische Fragmentierung für FFPE-DNA – auch einsetzbar für anschließende NGS-Methylomanalyse Auch empfohlen in Kombination mit NEBNext-Enzymatic-Methyl-seq (EM-seq), da Methylierungsmuster der Ausgangs-DNA erhalten bleibt Verbesserte Library-Ausbeuten, CpG-Abdeckung und weitere Metriken; bei FFPE-DNA-Seq-Workflows bringt Ultrashear mehr lesbare Reads und reduziert Formalin-induzierte Mutationen 	113,- (24 Reaktionen) 452,- (96 Reaktionen)



You'll be
thrilled to pieces.



Weitere Informationen finden Sie unter:

www.neb.com/E7805

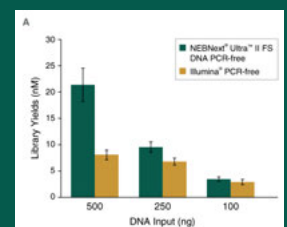


be INSPIRED
drive DISCOVERY
stay GENUINE

NEBNext® Ultra™ II (FS) DNA Library Prep Kits

– mit integriertem Fragmention System!

- Exzellente Libraries in weniger als 2,5h – dank schnellem Protokoll mit weniger als 15 min „hands-on“ Zeit
- Einzigartiger Enzym Mix ermöglicht Fragmentierung, End-Repair & dA-Tailing in einem Schritt
- Kompatibel mit Input-Mengen von 100 pg bis 0,5 µg ungescherter DNA
- Höchste Ausbeute dank verbesserter Reaktionseffizienz und geringem Proben-Verlust
- Auch als PCR-freie Kit-Variante erhältlich



Erzielen Sie höchste Ausbeuten mit dem NEBNext Ultra II FS DNA PCR-free Library Preparation Kit.

DNA/RNA-Fragmentierungs-Kit

ANBIETER HERSTELLER	PRODUKT- NAME	FRAGMENT- LÄNGENVERTEILUNG	SONSTIGES, BESONDERHEITEN, ALLGEMEINES	PREIS / EURO
New England Biolabs Kontakt siehe Seite 47	NEBNext Ultra II FS DNA Module	Gewünschte Fragmentgrößen im Bereich von 100 bis 1.000 bp über Inkubationsdauer genau einstellbar	<ul style="list-style-type: none"> – Modul aus dem NEBNext-Ultra-II -FS-DNA-Library-Prep-Kit für Fragmentierung, Endreparatur und A-Tailing in einem Reaktionsschritt – Einsetzbar für DNA-gelöst in TE, Tris-HCl oder Wasser – Variable Insertgröße der Librarys durch Veränderung der Inkubationszeit 	308,- (24 Reaktionen) 1.100,- (96 Reaktionen)
	NEBNext Ultrashear FFPE DNA Library Prep Kit	Für Fragmentgrößen im Bereich von 100 bis 200 bp	<ul style="list-style-type: none"> – Erste komplette FFPE-DNA-Library-Prep-Kitlösung, inkl. enzymatischer Ultrashear-Fragmentierung, DNA-Reparatur und optimierten Library-Prep-Reagenzien – Hohe Ausbeuten und Qualität für 5 bis 250 ng FFPE-DNA-Input (ab DIN 1,8), daher auch für anschließendes Target-Enrichment geeignet – Anwender- und automationsfreundlicher Workflow mit minimaler Hands-on-Zeit 	781,- (24 Reaktionen) 2.976,- (96 Reaktionen)
Nucleus Biotech Heidelberg www.nucleusbiotech.com Kontakt: Elke Gamer Tel: +49 6221 426 3470 elke.gamer@nucleusbiotech.com	DNA-Fragmentation Enzyme Mix	Justierbar innerhalb 204 bis 313 bp	<ul style="list-style-type: none"> – Enzymatisch: Einfache Handhabung – Fragmentgröße durch Inkubationsdauer steuerbar – NGS-optimierte sequenzunabhängige Fragmentierung 	280,-
	DNA-Fragmentation and Blunting Enzyme Mix	Justierbar innerhalb 204 bis 313 bp	<ul style="list-style-type: none"> – Enzymatisch: Einfache Handhabung – Fragmentgröße durch Inkubationsdauer steuerbar – NGS-optimierte sequenzunabhängige Fragmentierung, Fragmente zusätzlich einsetzbar für Blunt-End-Klonierung 	480,-
	DNA-Fragmentation and A-Tailing Enzyme Mix	Justierbar innerhalb 204 bis 313 bp	<ul style="list-style-type: none"> – Enzymatisch: Einfache Handhabung – Fragmentgröße durch Inkubationsdauer steuerbar – NGS-optimierte sequenzunabhängige Fragmentierung, Fragmente zusätzlich einsetzbar für TA-Klonierung 	480,-
	NGS DNA-Fragmen- tation and Library Prep Kit	Justierbar innerhalb 204 bis 313 bp	<ul style="list-style-type: none"> – Enzymatisch: Einfache Handhabung – Fragmentgröße durch Inkubationsdauer steuerbar – NGS-optimierte sequenzunabhängige Fragmentierung, zusätzlicher DNA-Library-Prep-Kit für die Illumina-Plattform 	930,-
Qiagen Hilden www.qiagen.com/de Kontakt: Tel. +49 2103 29 0 info@qiagen.com	QIaseq FX Library Kit	250 bis 550 bp	<ul style="list-style-type: none"> – Schnelle, automationsfreundliche Lösung zur Erstellung von DNA-Bibliotheken mit direkt integrierbarer Normalisierung – Unique-Dual-Index-(UDI)-Adapter zur parallelen Sequenzierung von bis zu 384 Bibliotheken – Hohe Komplexität der Bibliotheken und minimaler GC-Bias über den gesamten DNA-Input-Bereich von 20 pg bis 1 µg 	3.504,- (96 Prep)
Revvity Hamburg www.revvity.com Kontakt: Tel. +49 0800 000 6679	Nextflex Rapid XP V2 DNA-Seq Kit	Die Verteilung der Fragmentgröße kann vom Benutzer durch Anpas- sung der Zeit für die enzymatische Fragmentierungsreaktion ge- steuert werden / Wir empfehlen, Inserts mit einer Peakgröße von 300 bp anzustreben	<ul style="list-style-type: none"> – Eingabe von 100 pg bis 1 µg DNA – Enzymatische Fragmentierung mit Endreparatur und A-Tailing in einer Reaktion, enthält Nextflex-Normalization-Beads – Bis zu 1.536 UDI-Barcodes für Multiplexing verfügbar; Automatisierung auf den Sciclone- und Zephyr-NGS-Workstations für mittleren bis hohen Durchsatz und ab sofort auch auf dem BioQule-NGS-System für Labore mit geringem Durchsatz möglich 	30,40 (je Reaktion)
Roche Mannheim www.roche.com Kontakt: Tel. +49 621 7590 mannheim.allgemein@ roche.com	KAPA HyperPlus Kits	n/a	<ul style="list-style-type: none"> – Automatisierbare DNA-Library-Konstruktion in 1,5 bis 2,5 Stunden – Enthält Endreparatur- und A-Tailing-Modul – PCR-freier Workflow mit kleinen Ausgangsmengen 	Auf Anfrage

Produktübersicht

ANBIETER HERSTELLER	PRODUKT- NAME	FRAGMENT- LÄNGENVERTEILUNG	SONSTIGES, BESONDERHEITEN, ALLGEMEINES	PREIS / EURO
Tecan Deutschland Crailsheim www.tecan.com Kontakt: Tel. +49 79 51 94 17 0 info-de@tecan.com	Celero EZ DNA Seq	~200 bis 500 bp	<ul style="list-style-type: none"> – Unique-Dual-Index – High-throughput Multiplexing – NuQuant 	1.841,70 (96 Reaktionen)
	Allegro Targeted Genotyping V2	~500 bp	<ul style="list-style-type: none"> – High-throughput Multiplexing, bis zu 3.072 Samples – Custom-Target-Enrichment-Probes 	2.167,20 (192 Reaktionen)
	Ovation RRBS Methyl-Seq with TrueMethyl oxBS	~100 bis 200 bp	<ul style="list-style-type: none"> – Inklusive oxidativem Bisulfit-Reagenz – Bis zu 96 Barcodes – Automatisierbar 	3.881,85 (32 Reaktionen)
	Universal Plus mRNA-Seq with NuQuant	~200 bis 300 bp	<ul style="list-style-type: none"> – Strang-spezifisch – Targeted Depletion – Bis zu 384 UDIs 	1.121,40 (24 Reaktionen)
	Universal Plus Total RNA-Seq with NuQuant	~300 bp	<ul style="list-style-type: none"> – Strang-spezifisch – Targeted Depletion – Bis zu 384 UDIs 	2.019,15 (24 Reaktionen)
	Ovation Solo RNA-Seq System	~150 bis 300 bp	<ul style="list-style-type: none"> – Strang-spezifisch – Targeted Depletion – FFPE, cRNA oder degraded Gesamt-RNA 	2.632,35 (32 Reaktionen)
	Revelo RNA-Seq	~200 bis 300 bp	<ul style="list-style-type: none"> – Targeted Depletion – Bis zu 96 Unique-Dual-Indexes – NuQuant 	2.906,40 (32 Reaktionen)
Thermo Fisher Scientific Langensfeldbold www.thermofisher.com Kontakt: Tel. 0800 1 536 376 (innerhalb Deutschlands) Tel. +49 6184 90 6000 (von außerhalb Deutschlands) info.labequipment.de@thermofisher.com	Collibri PCR-free ES DNA Library Prep Kits for Illumina Systems	n/a	<ul style="list-style-type: none"> – PCR-freies Protokoll ab 100 ng DNA – Automatisierbar – Enthält alle erforderlichen Komponenten 	Auf Anfrage
	Collibri ES DNA Library Prep Kits for Illumina Systems	n/a	<ul style="list-style-type: none"> – Automatisierbar – Enthält alle erforderlichen Komponenten – Ab 1-500 ng DNA-Input 	Auf Anfrage
Twist Bioscience South San Francisco, CA (USA) www.twistbioscience.com Kontakt: customersupport@twistbioscience.com	Twist Library Preparation EF Kit 2.0	Abhängig von der Fragmentierungszeit	<ul style="list-style-type: none"> – Flexible Eingabe der DNA-Probe von 1 bis 500 ng – Umwandlung von DNA-Proben in robuste, amplifizierte Libraries in drei Stunden 	Auf Anfrage
Watchmaker Genomics Boulder, CO (USA) https://watchmakergenomics.com Kontakt: Ann-Cathrin Lindner Tel. +49 160 91463817 sales.eu@watchmakergenomics.com	Watchmaker DNA Library Prep Kit with Fragmentation	Gewünschte Insertgrößen sind in einem Bereich von 150-575 bp einstellbar	<ul style="list-style-type: none"> – Bis zu 90 % weniger Sequenz-Artefakte verbessern die Assay-Genauigkeit – entscheidend für hochsensible Anwendungen – Robuste Fragmentierung und effiziente Library-Präparation unterstützen die Verwendung klinisch relevanter Proben 	Auf Anfrage
	Watchmaker DNA Library Prep Kit for Fragmented Double-Stranded DNA	Kann fragmentierte DNA in einem Umfang von 150 bis 500 bp verarbeiten	<ul style="list-style-type: none"> – Robuste und flexible Library-Präparation aus fragmentierter DNA – Der schlanke Workflow ist mit Liquid Biopsies, mechanisch oder enzymatisch fragmentierter genomischer oder FFPE-DNA kompatibel 	Auf Anfrage
	Watchmaker RNA Library Prep Kit	Einstellbare Insertgrößen: 175 bis 250 bp für qualitativ hochwertige RNA (RIN>7)	<ul style="list-style-type: none"> – Strangspezifische, hochkomplexe RNA-Seq-Libraries in weniger als 3,5 Stunden mit einem Input von 0,25 bis 100 ng Gesamt-RNA – Ein neuartiger Aufbereitungsschritt verbessert die Zuverlässigkeit bei FFPE-Proben – Reduzierte Handling- und Aufreinigungsschritte verbessern die Automatisierbarkeit 	Auf Anfrage



Introducing:
The Genetic Sequencer
DNBSEQ-G99



Designed for
Speed,
Simplicity,
and
Flexibility

FAST _____

PE150 ≤ 12h

EASY TO USE _____

Novel cartridge design, simply press-to-load

FLEXIBLE _____

- Independent operation of dual flow cells
- Built-in bioinformatics module for advanced analysis

Contact us
to find out more:



<https://mgi-tech.eu/>

Targeted Protein Degraders

Navigating Protein Degradation from Start to Finish

NanoBRET™ TE and Lumit™ Immunoassays

- Cellular Permeability
- Proteasome Recruitment
- Target Protein Ubiquitination
- Binary & Ternary Complex Formation

HaloTag® and HaloPROTAC3

- Functional Analysis

HiBiT Protein Tag

- Target Protein Quantification



▶ To learn more, visit
www.promega.com/TPD1